

Warszawa, 19.11.2022

dr hab. Maja Boczkowska, prof. Instytutu
Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin w Radzikowie
Reprezentowana dyscyplina naukowa: rolnictwo i ogrodnictwo
Dane kontaktowe: 501 657 784, m.boczkowska@ihar.edu.pl

Rada Naukowa Instytutu
Hodowli i Aklimatyzacji Roślin
w Radzikowie

Oświadczenie kandydata na promotora¹

Wyrażam zgodę na pełnienie funkcji promotora doktoranta Szkoły Doktorskiej „AgroBioTech PhD” mgr /mgr/inż.² Magdaleny Białoskórskiej i oświadczam, że spełniam wymagania niezbędne do pełnienia funkcji promotora określone w art. 190 ust. 4 lub 5³ Ustawy z dnia 20 lipca 2018 r. – Prawo o szkolnictwie wyższym i nauce (Dz.U. z 2018 r., poz. 1668 z późn. zm.) oraz oświadczam, że w okresie ostatnich pięciu lat:

- 1) nie byłem promotorem 4 doktorantów, którzy zostali skreśleni z listy doktorantów z powodu negatywnego wyniku oceny śródkresowej;
- 2) nie sprawowałem opieki nad przygotowaniem rozprawy przez co najmniej 2 osoby ubiegające się o stopień doktora, które nie uzyskały pozytywnych recenzji, o których mowa w art. 191 ust. 1 ustawy.

Ponadto oświadczam, że nie zostałem ukarany karą dyscyplinarną pozbawienia prawa do wykonywania zadań promotora, o której mowa w art. 276 ust. 1 pkt 4 ustawy / byłem ukarany karą dyscyplinarną pozbawienia prawa do wykonywania zadań promotora, o której mowa w art. 276 ust. 1 pkt 4 ustawy, ale okres jej trwania zakończył się z dniem (podać datę zakończenia obowiązywania kary)⁴.

W załączeniu przedstawiam swoje CV naukowe oraz wykaz dotychczasowego dorobku naukowego i doświadczenia w zakresie pełnienia funkcji promotora lub promotora pomocniczego⁵.


¹ W przypadku zgłoszenia kandydatów na dwóch promotorów – każdy promotor wypełnia osobne oświadczenie

² Niepotrzebne skreślić

³ W przypadku warunków opisanych w art. 190 ust. 5 (np. gdy kandydat na promotora reprezentuje inną dyscyplinę naukową niż ta, w ramach której realizowana jest rozprawa doktorska, należy udowodnić, że kandydat na promotora/promotora pomocniczego posiada znaczące osiągnięcia i doświadczenie w zakresie zagadnień naukowych, których dotyczyć będzie dana rozprawa doktorska.

⁴ Niepotrzebne skreślić

⁵ Należy załączyć CV naukowe oraz wykaz publikacji z ostatnich 5 lat


.....
podpis kandydata na promotora

Do wiadomości:

Dyrektor Szkoły Doktorskiej „AgrBioTech PhD”

Załączniki:

- 1) CV naukowe kandydatów na promotora

Warszawa, 19.11.2022

Magdalena Białoskórska
Ul. Mazowiecka 38,
05-530, Dobiesz
nr. tel.: 781042502
email: m.bialoskorska@ihar.edu.pl
Dyscyplina naukowa¹: rolnictwo i ogrodnictwo

**Rada Naukowa Instytutu
Hodowli i Aklimatyzacji Roślin
w Radzikowie**

**Wniosek o wyznaczenie promotora/promotorów
lub promotora i promotora pomocniczego^{2/3/4}**

Zwracam się z prośbą o wyznaczenie promotora/promotorów lub promotora i promotora pomocniczego¹. Proponuję następujące(ą) osoby(ę) do pełnienia powyższych(ej) funkcji:

1. dr hab. Maja Boczkowska, prof. IHAR – na funkcję promotora,

Uzasadnienie wyboru wskazanych wyżej kandydatów⁵:

Pani dr hab. Maja Boczkowska, prof. IHAR jest autorem i kierownikiem projektu „Transkryptomika zamarzania systemów biologicznych na podstawie zróżnicowanej tolerancji pąków jabłoni na przechowywanie w warunkach kriogenicznych”, który zainteresował mnie ze względu na moje doświadczenie z kriokonserwacją nasion. Pani Profesor ma ogromne doświadczenie i wiedzę w dziedzinie genetyki. Jest zawsze bardzo otwarta na moje pytania i z chęcią służy mi swoją pomocą i radą. Pani Profesor kładzie nacisk na swój rozwój osobisty, a także na rozwój swoich doktorantów i współpracowników, pomagając w znalezieniu odpowiednich szkoleń i kursów również zagranicznych, które poszerzają wiedzę i umiejętności w zakresie potrzebnym do przeprowadzenia badań w sposób innowacyjny.

Magdalena Białoskórska
podpis Doktoranta

Do wiadomości:

Dyrektor Szkoły Doktorskiej „AgroBioTech PhD”

¹ Podać dyscyplinę naukową, w ramach której realizowany będzie doktorat

² Niepotrzebne skreślić.

³ Należy wskazać odpowiednio jednego kandydata na promotora albo kilku kandydatów na promotorów albo jednego kandydata na promotora i jednego kandydata na promotora pomocniczego.

⁴ Drugiego promotora można powołać w przypadku doktoratów realizowanych w ramach udokumentowanej współpracy międzynarodowej lub interdyscyplinarnej rozprawy doktorskiej.

⁵ Należy podać uzasadnienie dla każdego ze wskazanych kandydatów, z uwzględnieniem ich dotychczasowego dorobku naukowego i doświadczenia w zakresie pełnienia funkcji promotora lub promotora pomocniczego.

Załączniki:

- 1) Pisemne zgody kandydatów na promotora (promotorów / promotora pomocniczego) oraz oświadczenia o możliwości pełnienia powierzonych funkcji (wg załączonych wzorów).
- 2) CV naukowe kandydatów na promotora (promotorów / promotora pomocniczego)



Maja Boczkowska

Specjalistka w zakresie roślinnych
zasobów genowych

- 15 lat praktyki w badaniach naukowych
- pasjonatka ochrony bioróżnorodności

Małownicza 5, 05-870 Bramki

m.boczkowska@ihar.edu.pl

+48 501 567 784

+48 22 733 46 50



WYKSZTAŁCENIE

- 2018** Doktor habilitowany w dziedzinie nauk rolniczych, dyscyplinie ogrodnictwo
Wydział Ogrodnictwa, Biotechnologii i Architektury Krajobrazu Szkoły Głównej Gospodarstwa
Wiejskiego w Warszawie
- 2009** Doktor nauk rolniczych w zakresie ogrodnictwa
Wydział Ogrodnictwa i Architektury Krajobrazu Szkoły Głównej Gospodarstwa Wiejskiego w
Warszawie
- 2004** **Magister inżynier ogrodnictwa**
Wydział Ogrodnictwa i Architektury Krajobrazu Szkoły Głównej Gospodarstwa Wiejskiego w
Warszawie

DOŚWIADCZENIE

- od 2022** p.o. Kierownik Krajowego Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, Instytut Hodowli i
Aklimatyzacji Roślin – Państwowy Instytut Badawczy
- od 2018** **Profesor Instytutu**, Krajowe Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, Instytut Hodowli i
Aklimatyzacji Roślin – Państwowy Instytut Badawczy
- 2017-2019** **Adiunkt, Kierownik Zespołu Genetyki Konserwatorskiej**, Polska Akademia Nauk Ogród
Botaniczny – Centrum Zachowania Różnorodności Biologicznej w Powsinie
- 2016-2017** **Adiunkt**, Krajowe Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin
– Państwowy Instytut Badawczy
- 2013-2016** **Adiunkt**, Zakład Genomiki Funkcjonalnej, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin - Państwowy
Instytut Badawczy
- 2009 – 2013** **Adiunkt**, Krajowe Centrum Roślinnych Zasobów Genowych, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin
– Państwowy Instytut Badawczy
- 2009** **Biolog**, Ogród Botaniczny – Centrum Zachowania Różnorodności Biologicznej Polskiej Akademii
Nauk

DANE BIBLIOMETRYCZNE

Liczba publikacji: 42
Liczba publikacji z Impact Factor: 30
Liczba rozdziałów w monografiach: 3
Sumaryczny Impact Factor zgodnie z rokiem wydania: 70,079
Sumaryczna punktacja MEiN zgodnie z rokiem wydania: 2218
Liczba cytowań wg. Scopus: 235
Liczba cytowań wg. Google Scholar: 321
Indeks Hirsha: 9

PUBLIKACJE NAUKOWE

- Koroluk A, Paczos-Grzęda E, Sowa S, Boczkowska M, Toporowska J (2022). Diversity of Polish Oat Cultivars with a Glance at Breeding History and Perspectives. *Agronomy*, 12(10), 2423.
- Dziubińska D, Bolc P, Kloc G, Podyma W, Boczkowska M (2022). A comprehensive dataset of *Avena sativa* L. landraces phenotypes and genotype. *Data in Brief*, 41, 107962.
- Targonska-Karasek M, Boczkowska M, Podyma W, Pasnik M, Niedzielski M, Rucinska A, Nowak-Zyczynska Z, Rakoczy-Trojanowska M (2022). Multiplexed SSR and agronomic data used in an investigation of obsolete diversity of rye (*Secale cereale* L.). *Data in Brief*, 41, 107910.

- Dziurdziak J, Podyma W, Bujak H, **Boczkowska M** (2022). Tracking Changes in the Spring Barley Gene Pool in Poland during 120 Years of Breeding. *International Journal of Molecular Sciences*, 23(9), 4553.
- Rucińska A, Świerszcz S, Nobis M, Zubek S, **Boczkowska M**, Olszak M, Kosiński J, Nowak S, Nowak A (2022). Is it possible to understand a book missing a quarter of the letters? Unveiling the belowground species richness of grasslands. *Agriculture, Ecosystems & Environment*, 324, 107683.
- **Boczkowska M** (2021). Przegląd aktualnie dostępnych technologii sekwencjonowania kwasów nukleinowych. *Laboratorium-Przegląd Ogólnopolski*.
- Rakoczy-Trojanowska M, Bolibok-Braęoszewska H, Myśków B, Dziegielewska M, Stojalowski S, Grądzielewska A, **Boczkowska M**, Moskal K (2021). Genetics and Genomics of Stress Tolerance. In *The Rye Genome* (pp. 213-236). Springer, Cham.
- Dziurdziak J, Gryziak G, Groszyk J, Podyma W, **Boczkowska M** (2021). DArTseq Genotypic and Phenotypic Diversity of Barley Landraces Originating from Different Countries. *Agronomy*, 11(11), 2330.
- Moskal K, Kowalik S, Podyma W, Łapiński B, **Boczkowska M** (2021). The Pros and Cons of Rye Chromatin Introgression into Wheat Genome. *Agronomy*, 11(3), 456.
- Rucińska A, Olszak M, Świerszcz S, Nobis M, Zubek S, Kusza G, **Boczkowska M**, Nowak A (2021). Looking for Hidden Enemies of Metabarcoding: Species Composition, Habitat and Management Can Strongly Influence DNA Extraction while Examining Grassland Communities. *Biomolecules*, 11(2), 318.
- Puchta M, Groszyk J, Małecka M, Koter MD, Niedzielski M, Rakoczy-Trojanowska M, **Boczkowska M** (2021). Barley Seeds miRNome Stability during Long-Term Storage and Aging. *International Journal of Molecular Sciences*, 22(9), 4315.
- Paczos-Grzęda E, **Boczkowska M**, Sowa S, Koroluk A, Toporowska J (2021). Hidden Diversity of Crown Rust Resistance within Genebank Resources of *Avena sterilis* L. *Agronomy*, 11(2), 315.
- Dziurdziak J, Bolc P, Włodarczyk S, Puchta M, Gryziak G, Podyma W, **Boczkowska M** (2020). Multifaceted Analysis of Barley Landraces Collected during Gene Bank Expeditions in Poland at the End of the 20th Century. *Agronomy*, 10(12), 1958.
- Bolc P, Łapiński B, Podyma W, **Boczkowska M** (2020). Genetic Diversity and Population Structure of Algerian Endemic Plant Species *Avena macrostachya* Bal. ex Cross. et Durieu. *Agronomy*, 10(12), 1984.
- Puchta M, **Boczkowska M**, Groszyk J (2020). Low RIN Value for RNA-Seq Library Construction from Long-Term Stored Seeds: A Case Study of Barley Seeds. *Genes*, 11(10), 1190.
- Targonska-Karasek M, **Boczkowska M**, Podyma W, Pasnik M, Niedzielski M, Rucinska A, Nowak-Zyczynska Z, Rakoczy-Trojanowska M (2020) Investigation of obsolete diversity of rye (*Secale cereale* L.) using multiplexed SSR fingerprinting and evaluation of agronomic traits. *Journal of Applied Genetics*, 61(4)
- **Boczkowska M**, Bączek K, Kosakowska O, Rucińska A, Podyma W, Węglarz Z (2020) Genome-wide diversity analysis of *Valeriana officinalis* using DArT-seq derived SNP markers. *Agronomy*, 10(9), 1346.
- **Boczkowska M**, Rucińska A, Olszak M, Nowak A (2020) Barcoding loci usefulness for the identification of Polish meadow and xerothermophilous sward plant species. Short communication. *Komunikat. Biuletyn Instytutu Hodowli i Aklimatyzacji Roślin*, 77-83.
- Puchta M, Bolc P, Włodarczyk S, Groszyk J, **Boczkowska M** (2020). Historia sekwencjonowania genomów roślinnych. *Laboratorium-Przegląd Ogólnopolski*.
- Buśko M, Góral T, **Boczkowska M**, Perkowski J (2019) Relationships between volatile organic compounds with emphasis on terpene compounds and genetic matrix in inoculated and non-inoculated winter wheat cultivars. *Chemistry and Ecology*, <https://doi.org/10.1080/02757540.2019.1668379>
- Podyma W, Bolc P, Nocen J, Puchta M, Włodarczyk S, Lapinski B, **Boczkowska M** (2019) A multilevel exploration of *Avena strigosa* diversity as a prelude to promote alternative crop. *BMC Plant Biology*, <https://doi.org/10.1186/s12870-019-1819-6>
- Paczos-Grzęda E, Sowa S, **Boczkowska M**, Langdon T (2019) Detached leaf assays for resistance to crown rust reveal diversity within populations of *Avena sterilis* L. *Plant Disease*, <https://doi.org/10.1094/PDIS-06-18-1045-RE>
- **Boczkowska M**, Rucińska A, Targońska-Karasek M, Olszak M, Niedzielski M, Rakoczy-Trojanowska M, (2018) Starzenie się nasion—złożony problem banków genów. *Praca przeglądowa. Annales UMCS sectio E Agricultura*, 73:15-26
- Nociński J, Smolińska K, Czembor JH, **Boczkowska M** (2018) Klasyfikacja taksonomiczna akcesji pochodzących z Krajowego Centrum Roślinnych Zasobów Genowych — porównanie metod molekularnych. *Biuletyn Hodowli i Aklimatyzacji Roślin*, 283: 99-100

- **Boczkowska M**, Bączek K, Pawełczak A, Kosakowska O, Węglarz Z (2018) Różnorodność genetyczna populacji kozłka lekarskiego (*Valeriana officinalis* L.) ze stanowisk naturalnych w Polsce. *Biuletyn Instytutu Hodowli i Aklimatyzacji Roślin*, 283:65-66.
- **Boczkowska M**, Rucińska A, Targońska-Karasek M, Niedzielski M (2018) Starzenie się nasion-podstępny wróg zachowania różnorodności biologicznej w bankach genów. *Biuletyn Instytutu Hodowli i Aklimatyzacji Roślin*, 283:123-12
- **Boczkowska M**, Żebrowski J, Nowosielski J, Kordulasińska I, Nowosielska D, Podyma W, (2017) Environmentally-related genotypic, phenotypic and metabolic diversity of oat (*Avena sativa* L.) landraces based on 67 Polish accessions, *Genetic Resources and Crop Evolution*, 64: 1829–1840
- Podyma W, **Boczkowska M**, Wolko B, Dostatny DF (2017) Morphological, isoenzymatic and ISSRs based description of diversity of eight sand oat (*Avena strigosa* Schreb.) landraces. *Genetic Resources and Crop Evolution*, 64: 1661–1674
- Onyśk A, **Boczkowska M**, (2017) M13-tailed Simple Sequence Repeat (SSR) markers in studies of genetic diversity and population structure of common oat germplasm. w: Gasparis S. (ed) *Methods in Molecular Biology*, Volume 1536, Springer, 159-168
- **Boczkowska M**, Podyma W, Łapiński B (2016) Oat, w Singh, M. & Upadhyaya, H. (ed.) *Genetic and Genomic Resources for Grain Cereals Improvement*. Elsevier Academic Press, 159–225
- **Boczkowska M**, Łapiński B, Kordulasińska I, Dostatny DF, Czembor JH (2016) Promoting the use of common oat genetic resources through diversity analysis and core collection construction. *PLoS ONE*, 11(12): e0167855. doi:10.1371/journal.pone.0167855
- **Boczkowska M**, Onyśk A (2016) Unused genetic resources: a case study of Polish common oat germplasm. *Annals of Applied Biology*, 161:155-165
- Góral T, Stuper-Szablewska K, Buśko M, **Boczkowska M**, Walentyn-Góral D, Wiśniewska H, Perkowski J (2015) Relationships between Genetic Diversity and Fusarium Toxin Profiles of Winter Wheat Cultivars. *Plant Pathology Journal*, 31:226-244
- **Boczkowska M**, Harasimiuk M, Onyśk A (2015) Studies on genetic variation within old Polish cultivars of common oat. *Cereal Research Communications*, 43:12-21
- Zalewski W, Gasparis S, **Boczkowska M**, Rajchel IK, Kała M, Orczyk W, Nadolska-Orczyk A (2014) Expression patterns of *HvCKX* genes indicate their role in growth and reproductive development of barley. *PLoS ONE*, doi:10.1371/journal.pone.0115729
- **Boczkowska M**, Nowosielski J, Nowosielska D, Podyma W (2014) Assessing genetic diversity in 23 early Polish oat cultivars based on molecular and morphological studies. *Genetic Resources and Crop Evolution*, 61:927-941
- **Boczkowska M**, Tarczyk E (2013) Genetic diversity among Polish landraces of common oat (*Avena sativa* L.). *Genetic Resources and Crop Evolution*, 60:2157-2169
- **Boczkowska M**, Bulińska-Radomska Z, Nowosielski J (2012) AFLP analysis of genetic diversity in five accessions of Polish runner bean (*Phaseolus coccineus* L.). *Genetic Resources and Crop Evolution*, 59: 473-478
- **Boczkowska M**, Puchalski J (2012) SSR studies of genetic changes in relation to long-term storage and field regeneration of rye (*Secale cereale* L.) seeds. *Seed Science and Technology*, 40, 63- 72
- **Boczkowska M**, Puchalski J, (2012) Telomery i telomeraza w komórkach roślinnych *Kosmos*, 61: 587-596
- **Boczkowska M**, Puchalski J (2008), Molecular studies on the changes in the genetic composition in gene bank accessions after long term storage of rye seeds, *Polish Journal of Natural Sciences*, Supp. 5:262-263
- **Boczkowska M**, Niedzielski M, Puchalski J (2007) Molecular studies on seed ageing effects in relation to long-term storage of rye seeds. *Vorträge für Pflanzenzüchtung*, 71:270-272

STAŻE NAUKOWE

2016

Poland, Polish Federation of Cattle Breeders and Dairy Farmers, Cattle Genetics Laboratory, DNA microarrays (3 tygodnie)

2008

USA, USDA-ARS National Center for Genetic Resource Preservation, Fort Collins, financed by the project USDA-ARS nr 58-5402-4F147 (3 miesiące)

PROJEKTY

2022 - 2026

Narodowe Centrum Nauki, Preludium Bis, Transkryptomika zamarzania systemów biologicznych na podstawie zróżnicowanej tolerancji pąków jabłoni na przechowywanie w warunkach kriogenicznych, Kierownik projektu

2020 - 2025

	European Commission, Horyzont 2020, Activated GENebank NeTwork (AGENT). Koordynator Projektu w IHAR-PIB, Koordynator Zadania.
2020 - 2025	Ministerstwo Edukacji i Nauki, Premia na Horyzoncie 2. Koordynator projektu.
2018-2023	Interdyscyplinarne Centrum Modelowania Matematycznego i Komputerowego UW, Statistical and bioinformatic analysis of high-throughput sequencing data of cultivated and wild plant species. Kierownik Projektu.
2019-2020 2016	Ministerstwo Rolnictwa i Rozwoju Wsi, Charakterystyka i diagnostyka molekularna wybranych zasobów genowych roślin uprawnych i towarzyszącym im chwastów. Kierownik Tematu, Wykonawca tematu.
2017 – 2018	Narodowe Centrum Nauki, Miniatura, Różnorodność genetyczna populacji kozłka lekarskiego (<i>Valeriana officinalis</i> L.) na stanowiskach naturalnych w Polsce, Kierownik projektu.
2018-2020	Narodowe Centrum Nauki, Opus, Jaka jest prawdziwa różnorodność środkowoeuropejskich traworośli? - analiza podziemnych elementów zbiorowisk roślinnych metodą metabarkodingu wielu locji. Wykonawca projektu.
2015-2016	Narodowe Centrum Nauki, OPUS, Rola genów TaCKX w regulacji procesów rozwoju roślin pszenicy zwyczajnej (<i>Triticum aestivum</i> L.). Wykonawca projektu.
2014-2016	Ministerstwo Rolnictwa i Rozwoju Wsi, Identyfikacja zmienności genetycznej pszenicy korelującej z potencjałem plonotwórczym i wybranymi cechami systemu korzeniowego. Wykonawca tematu.
2009-2012	Ministerstwo Rolnictwa i Rozwoju Wsi, Ulepszanie Roślin dla Zrównoważonych AgroEkoSystemów, Wysokiej Jakości Żywności i Produkcji Roślinnej na Cele Nieżywnościowe. Wykonawca tematu.
2004-2009	European Commission, VI Ramowy Program UE, European Native Seed Conservation Network. Wykonawca projektu.
2004-2009	United States Department of Agriculture, Agricultural Research Service, Mechanism of genetic change during ex situ conservation of rye germplasm. Wykonawca projektu.

NAGRODY

2022	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda za publikacje naukowe w 2020 i 2021 roku.
2020	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda za publikacje naukowe w 2019 roku.
2018	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda za publikacje naukowe w 2017 roku.
2016	V Polski Kongres Genetyki, nagroda za wystąpienie.
2015	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda za publikacje naukowe w 2014 roku.
2014	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda za publikacje naukowe w 2013 roku.
2013	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda za publikacje naukowe w 2012 roku.
2010	Nagroda Dyrektora, Instytut Hodowli i Aklimatyzacji Roślin -PIB, nagroda dla młodych naukowców.

DONIESIENIA KONFERENCYJNE

2004-2022	17 wystąpień i 10 plakatów na konferencjach krajowych i międzynarodowych.
-----------	---

SZKOLENIA I E-LEARNING

2018	Analiza danych ddRADSeq Letnia Szkoła Młodych Naukowców (Uniwersytet Kardynała Stefana Wyszyńskiego). Wprowadzenie do obróbki i analizy danych NGS (Ideas4biology). Wprowadzenie do analizy danych RNA-Seq (Ideas4biology). NGS w badaniach regulacji genów (Ideas4biology). Zrób to sam: praktyczne aspekty analizy danych molekularnych (Ideas4biology).
------	---

2017	Podstawy programowania dla biologów w języku Python (Ideas4biology). Analiza i wizualizacja danych biologicznych w języku R (Ideas4biology). Analiza i wizualizacja danych w R (LabMasters).
2016	Genome Sequencing (Bioinformatics II) (University of California). Finding Hidden Messages in DNA (Bioinformatics I) (University of California)
2015	Introduction to Genetics and Evolution (Duke University). Bioinformatic Methods II (University of Toronto). Bioinformatic Methods I (University of Toronto).
2014	Computational Molecular Evolution (Technical University of Denmark -DTU).
2013	Plant genomics resources and phenotypic data standardisation (Uniwersytet Adama Mickiewicza w Poznaniu).
2010	Letnia Szkoła Taksonomii (Uniwersytet Gdański).
2009	Statistica (Szkoła Główna Gospodarstwa Wiejskiego).
2008	Tissue Printing for RNA and Protein Localization in Seeds.
2007	Podstawy techniki Real Time PCR i analiza ekspresji genów.

INNA DZIAŁALNOŚĆ

od 2022	Komitet Redakcyjny Journal of Plant Growth Regulation.
2020-2023	Komitet Nauk Agronomicznych PAN.
2020	Plants, Reviewer Board.
od 2019	Komitet Redakcyjny Biuletyn IHAR.
2019 - 2022	Promotor dr Joanny Dziurdziak.
2019 - 2022	Promotor dr Marty Puchty-Jasińskiej.
2010	Punkt kontaktowy ds. Systemu Dostępu i Podziału Korzyści z Zasobów Genetycznych (ABS).

DZIAŁALNOŚĆ RECENZENCKA

Crop Science
 Genetica
 Agronomy
 Agriculture
 Biology
 Diversity
 Forest
 Genes
 International Journal of Molecular Sciences
 Diversity
 Plants
 Journal of Phytopathology
 Phytotaxa
 Plant Biotechnology Journal
 Genetic Resources and Crop Evolution
 Global Ecology and Conservation
 African Journal of Biotechnology
 Physiology and Molecular Biology of Plants
 Cereal Research Communication
 Wiadomości Botaniczne
 Scientific Reports
 Journal of Applied Genetics
 Antioxidants
 Theoretical and Applied Genetics